

# ANÁLISE DE EXPRESSÃO GÊNICA DE *VEGF* E *HIF* EM PACIENTES COM COLANGIOCARCINOMA (APOIO UNIP)

**Alunas:** Maria Aparecida C. Luciano e Murielly Pereira Fernandes

**Orientador:** Prof. Rafael Fernandes Ferreira

**Curso:** Biomedicina

**Campus:** São José do Rio Preto

**Introdução:** O colangiocarcinoma (CC) é o segundo tipo mais comum de câncer hepático primário, com origem nos ductos biliares, podendo ser classificado como intra (iCCA) ou extra-hepático (eCCA). Em hipóxia, o principal alvo do *Fator Induzível por Hipóxia (HIF-1 $\alpha$ )* é o *fator de crescimento endotelial vascular (VEGF)*, uma glicoproteína de ligação à heparina que atua como fator de permeabilidade vascular promovendo a angiogênese. **Objetivos:** Analisar as expressões gênicas de *HIF-1 $\alpha$*  e *VEGF* visando esclarecer sua associação com subtipo tumoral, sobrevida e metástase em pacientes com CCA. **Casuística e Métodos:** Foram selecionados 76 indivíduos distribuídos em: Grupo de estudo (GE), composto por 55 pacientes com CCA, com amostras de tecido tumoral, e Grupo Controle (GC), composto por 21 indivíduos sem sinais clínicos de hepatopatia. O RNA foi extraído de tecido tumoral emblocado em parafina e tecido fresco. A análise de expressão gênica foi realizada por reação em cadeia de polimerase de transcrição reversa em tempo real. O valor de significância admitido foi de  $P < 0,05$ . **Resultados:** Observamos superexpressão de *VEGF-A* (11,8) e *HIF-1 $\alpha$*  (11,0) nos pacientes com CCA em comparação ao controle relativo (1,0;  $P < 0,0001$ , para todas as comparações). Houve semelhança nos níveis de expressão de *VEGF-A* e *HIF-1 $\alpha$*  entre iCCA e eCCA ( $P > 0,05$  para ambos). **Conclusão:** O presente estudo evidenciou a associação dos níveis de mRNA de *VEGF-A* e *HIF-1*, em CC, destacando-se a superexpressão em tecido tumoral de pacientes em comparação ao controle.