

CARACTERIZAÇÃO FENOTÍPICA E GENÉTICA DE *LISTERIA MONOCYTOGENES* DE AMBIENTES RURAIS

Autor: Alex de Camargo Coque

Orientador: Prof. Dr. Paulo Ricardo Dell'Armeline Rocha

Listeria monocytogenes (LM) é uma bactéria que pode ser encontrada em ambiente rural, é a principal causadora da listeriose, doença relevante no cenário moderno, causadora de prejuízos à indústria alimentícia e ao consumidor devido à gravidade do quadro clínico e sintomas comuns a outras doenças, e com acentuada subnotificação. No Brasil, até o momento, poucos estudos de biologia molecular foram realizados para avaliar a detecção dessa bactéria em propriedades rurais, que tem sido classificada como potencial reservatório de cepas patogênicas. No presente estudo, foram colhidas 31 amostras por *swabs* de locais relacionados ao ambiente rural, que foram posteriormente isoladas em meios de cultivo seletivos para o gênero *Listeria* spp. Posteriormente, as amostras foram submetidas ao ensaio de PCR multiplex (EPM), para caracterização do gênero *Listeria* spp., bem como dos principais sorotipos de LM. No cultivo bacteriano, foram encontradas bactérias aparentemente do gênero *Listeria* spp. em 93,54% (N29) das amostras. Além disso, o EPM detectou LM do sorotipo 1/2a em 22,58% (N7) das amostras e LM sorotipo 1/2b em 3,22% (N1) das amostras. Esses sorotipos de LM têm sido frequentemente associados a surtos de listeriose humana e animal, como nos ruminantes, e podem ser encontrados em alimentos contaminados de origem animal (leite, queijos, carnes) e vegetal (frutas, verduras e legumes). Portanto, é fundamental a vigilância epidemiológica ativa para a detecção dos sorotipos potencialmente virulentos de LM, a partir da caracterização por biologia molecular para a adoção de novas normas sanitárias no Brasil, pois este patógeno é importante para a saúde pública.