

# **ANÁLISE DA EXPRESSÃO DO FATOR TRANSCRICIONAL *PAX 7* (*PAIRED BOX PROTEIN 7*) EM LARVAS DE *Colossoma macropomum* (TAMBAQUI) (APOIO UNIP)**

**Aluna:** Sthefany Samara dos Anjos

**Orientadora:** Profa. Dra. Fernanda Antunes Alves-Costa

**Curso:** Biomedicina

**Campus:** Bauru

A expressão diferencial de fatores transcricionais, tais como o *paired box protein 7*, ou *Pax 7*, podem ser relacionados a eventos específicos de hiperplasia e hipertrofia, que levam ao crescimento muscular esquelético em peixes. Assim, este estudo objetivou obter amostras de larvas de *Colossoma macropomum* (tambaqui), em diferentes fases iniciais de desenvolvimento, e suas respectivas amostras de RNAs totais, para determinar, posteriormente, o padrão quantitativo de expressão de transcritos de *pax 7*. Para isso, foram coletadas larvas de tambaquis de 2, 5, 7 e 9 dias após a fertilização (daf), as quais foram imediatamente congeladas em nitrogênio líquido para posteriores extrações de RNAs totais, com *Trizol Reagent* (Thermo Fisher). As amostras de RNAs obtidas foram quantificadas por espectrofotometria em equipamento *Uv-Vis Nanovue Analítica* (GE Healthcare) e a qualidade dos RNAs foram avaliadas por meio de valores de absorvância 260/280 nm. Foi feito o tratamento dos RNAs larvais com DNase, seguido da transcrição reversa dos mesmos. Como resultados, foram obtidas amostras de RNAs totais de concentrações médias de 253,8 a 755,3 ng/uL e razões médias entre as absorvâncias de 260 e 280 nm de 1,54 a 1,83, o que evidencia quantidades significativas de RNAs de boa qualidade, para uso em reações de Reação em Cadeia da Polimerase (PCR) em Tempo Real. Os dados são preliminares, mas auxiliarão a obter dados sobre a expressão gênica de *pax7*, o que proporcionará melhor entendimento sobre os eventos moleculares de crescimento muscular de tambaqui.