

# **EXPRESSÃO SÉRICA DE C-KIT EM MASTOCITOMA CANINO: UM ESTUDO MOLECULAR**

**Autora:** Beatriz de Bem Kerr Martins

**Orientador:** Prof. Dr. José Guilherme Xavier

O proto-oncogene c-kit codifica um receptor transmembranar considerado importante para o crescimento e progressão tumoral em vários tipos de neoplasias. A superexpressão de c-kit, associada a uma variedade de mutações, tem sido descrita em cães com mastocitomas (MCT). O presente trabalho vem sendo realizado para estudar a potencial expressão de RNAm de c-kit no soro de cães portadores de mastocitomas como um marcador tumoral dessas neoplasias, utilizando a transcrição inversa e a reação em cadeia da polimerase quantitativa (RT-qPCR). O estudo foi realizado com 48 animais, sendo 10 livres de neoplasia, utilizados como grupo controle, e 38 portadores de MCT. As amostras de sangue desses pacientes foram obtidas por punção venosa e criopreservadas em tubos contendo EDTA. O RNAm total foi extraído, foi realizada a transcrição reversa do cDNA e a PCR quantitativa. Todos os cães foram submetidos à excisão cirúrgica do tumor e o diagnóstico de MCT foi confirmado histologicamente, seguindo-se a gradação dos processos. O nível de transcrição de c-kit foi normalizado utilizando a expressão de beta2 microglobulina, sendo a expressão relativa calculada pelo método  $\Delta\Delta CT$ . A expressão de c-kit foi detectada em 72,9% das amostras, incluindo todas as amostras do grupo controle e 25 dos portadores MCT, tratadas ou não, com superexpressão em 76% dos casos ( $p < 0,01$ , teste de Mann-Whitney). Nos seres humanos com mastocitoma, os níveis de KIT, em particular, parecem refletir a extensão e a gravidade da doença. Neste trabalho observamos que a expressão e quantificação do c-kit no sangue periférico desses cães é um método promissor para identificar portadores de MCT, submetidos ou não à quimioterapia.

**Apoio PROSUP-CAPES**