

# ESTUDO DA INFLAMAÇÃO POR MEIO DA VIA DE EXPRESSÃO GÊNICA DA GLUTATIONA PEROXIDASE EM PACIENTES RENAIIS CRÔNICOS (APOIO UNIP)

**Aluna:** Roberta Gomes Batista

**Orientadora:** Profa. Dra. Flávia de Sousa Gehrke

**Curso:** Biomedicina

**Campus:** Paraíso

A Doença Renal Crônica (DRC) ocorre quando uma doença ou outra condição de saúde prejudicam a função renal causando danos aos rins que tendem a agravar-se ao longo dos anos. Há um acúmulo de líquidos e resíduos afetando a maioria dos sistemas e funções do corpo. A Glutaciona Peroxidase faz parte do sistema de defesa antioxidante enzimático, cuja função é inibir ou reduzir os danos causados pela ação deletéria dos radicais livres ou das espécies reativas não radicais. A pesquisa objetivou observar o perfil de expressão do gene da Glutaciona Peroxidase em pacientes com DRC. Para tanto, o sangue periférico de 8 pacientes portadores de DRC e de 6 indivíduos do grupo controle foram coletados em tubos contendo EDTA. A extração de RNA e a síntese de cDNA foram realizadas de acordo com as recomendações dos respectivos kits: QIAamp RNA blood mini e Superscript II RNase RT. O RT-PCR foi realizado com auxílio dos oligonucleotídeos específicos GPx4 e o gene endógeno GAPDH. Os resultados obtidos indicam que no grupo pesquisado, 50% são do sexo masculino e 50% sexo feminino; a média de idade foi de 53 anos, notou-se que de 64% são acometidos por *diabetes mellitus* e 100% foram diagnosticados com hipertensão arterial sistêmica. Conclui-se que após condicionamento cardíaco no grupo controle e grupo de pacientes, não foi constatada correlação estatística entre a expressão de GPX-4 e os grupos estudados. Estes resultados podem estar associados ao pequeno número de pacientes analisados e/ou pelo fato de avaliarmos apenas a primeira amostra após o pré-condicionamento. Entretanto, observa-se uma correlação estatística entre a diminuição significativa da ureia após o pré-

condicionamento. Essa informação pode ter um significado importante no diagnóstico e prognóstico da doença sendo necessários novos testes com um “n” maior de amostras.